

# 蛋白質・リガンド相互作用データベース ProLINT

生体分子とリガンドの相互作用に関する実験データ(結合定数、IC50、実験方法など)と関連する構造情報(リガンド構造、蛋白質構造)、文献情報などを集めたデータベースで、現在 Kinase と Protease ファミリーについて 20,000 件以上のデータを収集しています。ProLINT は構造・活性相関や創薬などの研究にとって貴重なリソースです。

## ProLINT の特徴

- Kinase, Protease ファミリーに関する 20,000 件を超えるリガンドの活性データ。
- リガンドの2次元および3次元構造データ。
- Kinase, Protease ファミリーの3次元モデル構造。
- 生体分子統合データベース 3DinSight により、配列、構造、機能、疾病などの情報と統合。
- 検索インターフェイスを用いてリガンド部分構造検索など柔軟な検索が可能。
- 蛋白質配列の類似性検索、マルチプルアラインメントとリガンド結合部位のマッピングも可能。

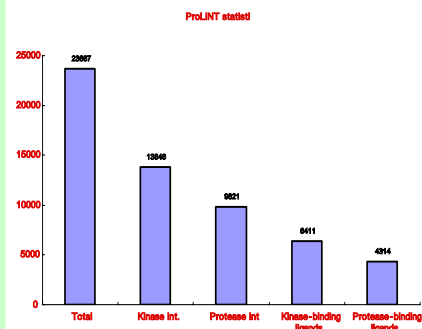
## ProLINT の主な内容

リガンド情報[名前、SMILES、分子量、原子組成等]、蛋白質情報[名前、由来生物種、配列データベースコード、構造データベースコード等]、相互作用・活性情報[結合定数、IC50、競合性、可逆性等]、病理学的情報[疾病、ターゲット動物等]、文献情報、関連データベースへのリンク[PDB (Protein Data Bank), PIR (Protein Information Resources), SWISS-PROT (アミノ酸配列等情報), 3DinSight, PubMed (文献情報)], その他情報[キーワード、リマーク、測定条件等]



## 企業向けへの販売形態

- データのみのライセンス契約。
- データの年間更新契約。
- データプラス検索機能のライセンス契約。
- インターネットを通じたオンライン利用ライセンス契約。
- その他の形態についてもご相談に応じます。



九州工業大学 情報工学部 生命情報工学科 〒820-8502 福岡県飯塚市川津 680-4



Tel: 0948-29-7811, Fax: 0948-29-7841, E-mail: sarai@bse.kyutech.ac.jp

<http://gibk26.bse.kyutech.ac.jp/jouhou/jouhoubank.html>